核酸医薬品分析における Dual-hybridization assayの有用性検証

〇羽成 優 , 小宮 薫 , 林 善治 , 丸本 美穂 , 團野 典行 , 髙原 栄二

シミックファーマサイエンス株式会社

緒言

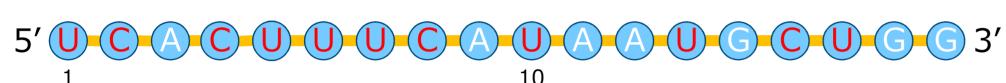
生体試料中の核酸医薬品濃度分析には、LC-MSやHybridization LBA, qPCRなど様々な分析法が開発されているが、Hybridization LBAは他の分析法に比べ高感度分析が可能である点や分析法の構築が容易である点がメリットとして挙げられる.

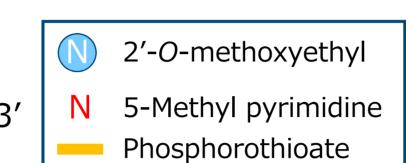
今回, モデルアンチセンスオリゴヌクレオチド(ASO) としてNusinersen (Spinraza) を, 検出法としてElectrochemiluminescence (ECL) 法を用いて、Dual-hybridization assay (DHA) 及びCutting assay (CA) の2つの手法を構築した. 本発表ではその評価結果について報告する.

材料及び方法

材料

測定対象物質: Nusinersen





測定用プローブ

・DHA用プローブ: 3′末端にBiotinを付加した8merのCaptureプローブ及び

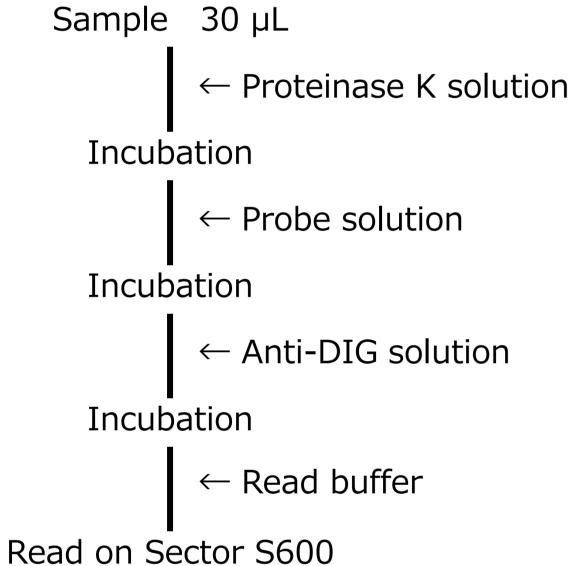
5′末端にDigoxigeninを付加した8merのDetectionプローブ

・CA用プローブ: 3′末端にBiotin, 5′末端にDigoxigeninを付加した

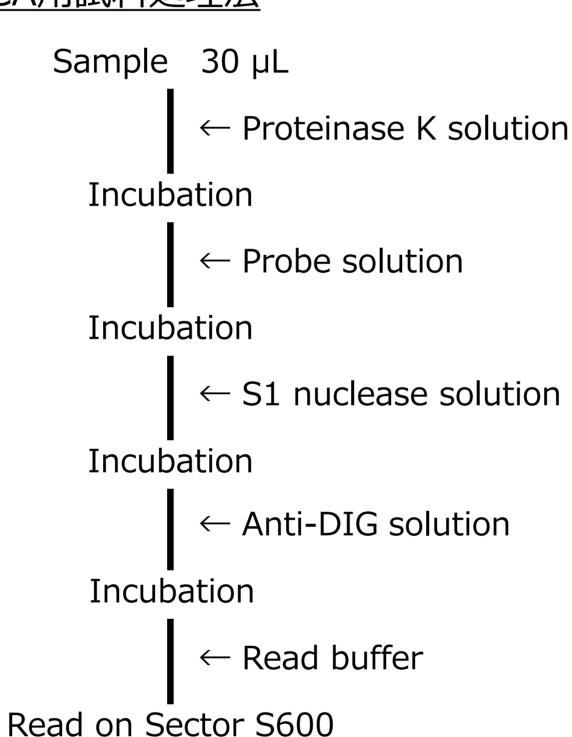
18merプローブ

試料処理法

DHA用試料処理法



CA用試料処理法





非マトリックス(非生体成分含有溶液)での確認の際はSample 10 μLで実施し, Proteinase K処理は実施しなかった.

分析は,電気化学発光法(ECL: Electrochemiluminescence)を利用した機器であるSector S600を用いて分析した.

結果

1. マトリックス中ASO結合タンパク質の影響低減検討

- ➤ ASOの多くはヌクレアーゼ耐性の獲得や細胞内への取り込み効率改善を目的として、ホスホロチオエート修飾(S化)されることが多い。S化されたASOはタンパク質結合率が高いことが知られている。
- ➤ ヒト血漿と比較し、サル血漿中にはASO結合タンパク質が高濃度に存在するという報告も見られる.

サル及びヒト血漿を用い, 感度の違いを確認するとともに, Proteinase K処理による影響低減の確認を行った.

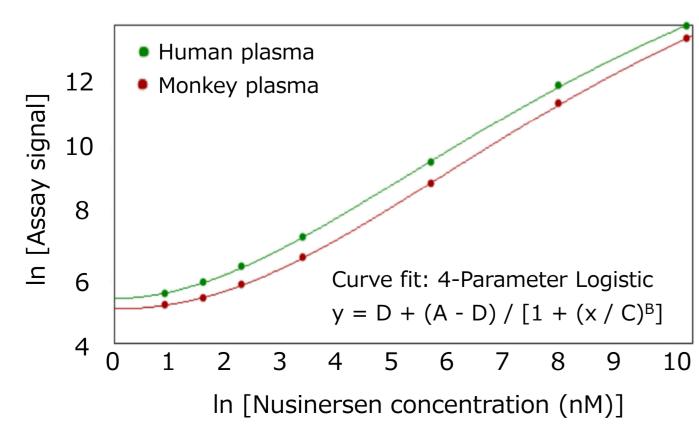
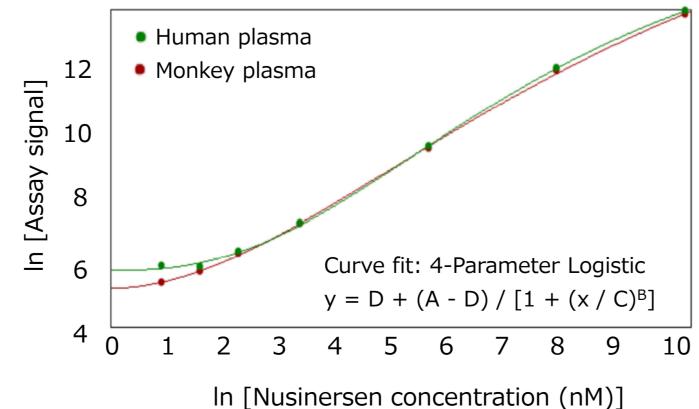


図1. 検量線(Proteinase K処理なし)



-図2. 検量線(Proteinase K処理あり)

Proteinase K処理をしない場合,サル血漿でSignal値の低下がみられた. Proteinase K処理を追加することにより,ヒト血漿とサル血漿でSignal値の差はなくなり,結合タンパク質の影響を低減することが出来た.



問い合わせ先: 羽成 優 (e-mail to suguru-hanari@cmicgroup.com)

2. 簡易バリデーション

ヒト血漿(抗凝固剤:EDTA-2K)を使用して、簡易バリデーションを実施した.

_ :		
バリデーション項目	Dual-hybridization assay	Cutting assay
検量線	<u>0.005∼10 nM</u>	<u>0.0025∼3 nM</u>
	Accuracy: 97.3%~103.0%	Accuracy: 96.7%~105.0%
真度及び精度	0.005, 0.01, 0.3, 5, 10 nM	0.0025, 0.005, 0.1, 1.5, 3 nM
Intra-assay	Accuracy: $95.6\% \sim 121.2\%$ CV: $0.6\% \sim 4.6\%$ TE: $2.6\% \sim 25.8\%$	Accuracy: $95.3\% \sim 107.2\%$ CV: $0.7\% \sim 9.0\%$ TE: $4.4\% \sim 16.2\%$
Inter-assay	Accuracy: $96.8\% \sim 112.8\%$ CV: $2.7\% \sim 8.9\%$ TE: $5.0\% \sim 21.7\%$	Accuracy: $102.0\% \sim 113.2\%$ CV: $3.0\% \sim 7.4\%$ TE: $7.2\% \sim 20.6\%$
選択性	<u>0, 0.005 nM</u>	<u>0, 0.0025 nM</u>
	Blank: <lloq (10個体)<="" td=""><td>Blank: <lloq (10個体)<="" td=""></lloq></td></lloq>	Blank: <lloq (10個体)<="" td=""></lloq>
	Spiked: 30.8%~101.6% (9/10個体でPass)	Spiked: 88.0%~143.6% (9/10個体でPass)

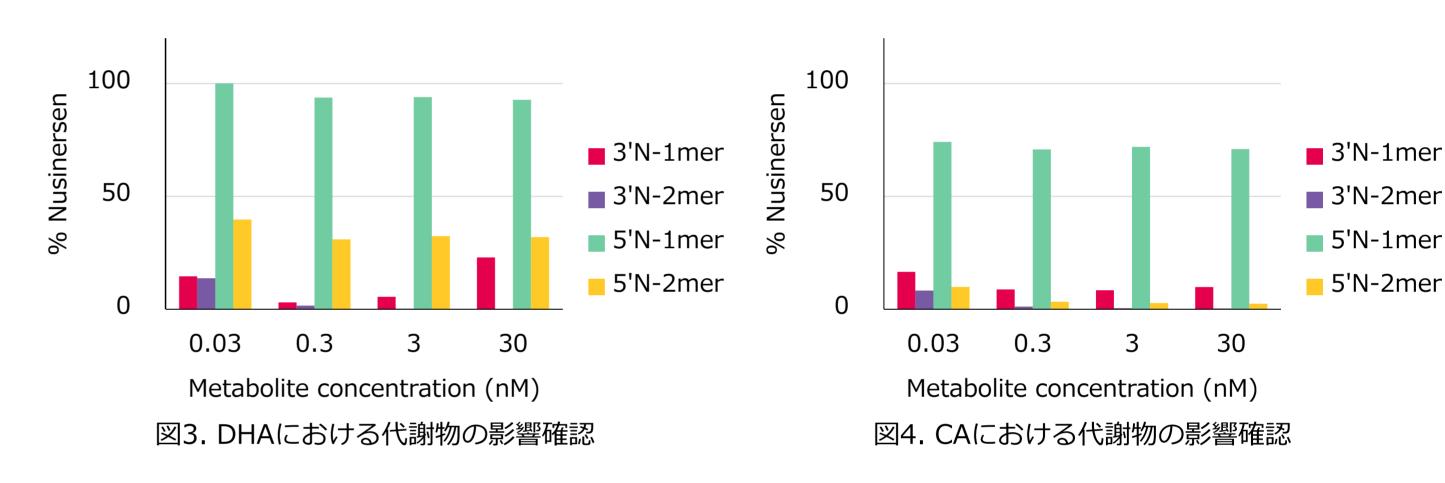
いずれの手法もLBAガイドラインの判断基準を満たした.

感度に大きな差はなかった.

3. 代謝物の影響確認

非マトリックス条件にて、代謝物が分析系に及ぼす影響を確認した.

Nusinersen分析と同一の測定用プローブを使用し、Nusinersen及び代謝物を個別に分析した。NusinersenのSignal値を100%とした際の、個々の代謝物のSignal値を%Nusinersenとして求めた。



いずれの手法でも,一般に代謝を受けやすいと言われている3'側代謝物の交差反応性が低い結果となった.

DHA: 3'N-1merは3-23%, 5'N-1merは93-100%の交差反応性を示した. 代謝により欠損する塩基がプローブとの親和性に大きく影響すると 考えられる.

CA: 3'N-1merは7-17%, 5'N-1merは69-74%の交差反応性を示した.
5'N-1merではS1 nucleaseの反応が進行していないと考えられる.
Biotin側にスペーサーを入れることで反応が促進される可能性もある.

4. 各手法に対する所感

	Dual-hybridization assay	Cutting assay
	• 作業時間がCAより1.5時間程度短縮	• DHAより感度がよい結果となった
	できた	プローブの準備は1種類のみのため,
	• 系構築が容易でCAよりトータル	管理が楽であった
	コストを抑えることが出来た	
Cons	• 2種類のプローブの準備が必要で,	・ 酵素処理が追加となることにより,
	それぞれ合成量が異なるため,管理 が煩雑となった	作業時間,検討期間が長くなった
		• 酵素のロット間差や劣化の不安

結言

今回, Dual-hybridization assayの核酸医薬品分析における有用性を検証した.

Dual-hybridization assayについて

一般的にDHAはASOのような鎖長の短い核酸医薬品の分析には不向きな手法であると認識されている. ASOの配列にも依存すると思われるが, 今回の結果からは16mer以上の長さであれば測定系の構築を検討する価値はあると考えられた.

結合タンパク質

血漿試料についてもProteinase K処理を追加することにより,結合タンパク質の影響を低減することが出来た.本処理は,ADAの分析系への影響の低減にも有用であると考える.

代謝物の影響

いずれの手法も影響を受ける結果となり,両者で顕著な差は見られなかった. DHAについては欠損する塩基により影響の度合いが異なることが示唆された.

今回の結果から,

ASO分析についてDual-hybridization assayは Cutting assayに劣らないスペックを有しており, 生体試料中ASO分析に有用な手法であると考える.